

## چکیده

**مقدمه:** استریتوکوکوس آگالاکتیه توانایی دسترسی به سایت‌های مختلف میزبان را دارد که نشان دهنده سازگاری آن با محیط‌های مختلف در طی دوره عفونت می‌باشد. این سازگاری به سبب حضور فاکتورهای بیماریزا مانند پیلی می‌تواند باشد. هدف از این مطالعه شناسایی ایزوله‌های بالینی استریتوکوکوس آگالاکتیه به روش فنوتیپی و ژنوتیپی و تعیین حضور تایپ‌های مختلف در جمعیت مورد مطالعه به روش MLVA می‌باشد.

**روش‌ها:** در کل، ۹۰ ایزوله استریتوکوکوس آگالاکتیه از سه آزمایشگاه بالینی در سطح شهر تهران و کرج در بازه زمانی ۱۴ ماه جمع‌آوری شد. بعد از تأیید فنوتیپی و ژنوتیپی ایزوله‌ها، آنها از لحاظ حساسیت آنتی‌بیوتیکی مورد ارزیابی قرار گرفته و بیان ژن‌های جزایر پیلی به روش Real time PCR مورد بررسی قرار گرفت. در پایان، با استفاده از روش MLVA حضور تایپ‌های مختلف در جامعه شناسایی شدند.

**نتایج:** بر اساس مطالعات سروتایپینگ، ایزوله‌های مورد مطالعه به چهار سروتایپ کپسولی با فراوانی: سروتایپ III (۶۸/۸ درصد)، II (۱۰ درصد)، Ib (۱/۱ درصد) و V (۲۰ درصد) تعلق داشتند. تمامی ایزوله‌های بالینی به پنی‌سیلین و وانکومایسین حساس بودند. نتایج ارزیابی حضور ژنهای جزیره ژنومی نشان دهنده حضور حداقل یک جزیره ژنتیکی در تمامی ایزوله‌های مورد مطالعه بود. بین پروفایل ترکیبی PI-1 + PI-2a و سروتایپ‌ها ارتباط آماری معنی‌دار مشاهده شد. مقایسه بیان ژن‌های پیلی در سروتایپ‌های مختلف نشان‌دهنده تفاوت بیان ژن پیلی در سروتایپ‌های مختلف بود. مجموعاً در جمعیت مورد مطالعه ۴۴ تایپ مختلف MLVA مشاهده شد.

**نتیجه‌گیری:** نتایج این مطالعه براساس ارتباط توزیع ژن‌های جزایر پیلی در ایزوله‌های بالینی و پراکندگی سروتایپ‌های کپسولی یکسان در تایپ‌های مختلف MLVA نشان می‌دهد که تکنیک MLVA می‌تواند یک روش ضروری در توسعه نظارت و برنامه‌های کنترلی باشد.

**کلید واژه:** استریتوکوکوس آگالاکتیه، جزایر پیلی، سروتایپینگ کپسولی، MLVA، الگوی حساسیت

آنتی‌بیوتیکی